Analyse des dioxines: méthodes physicochimiques ou « bio »

G. Eppe, J.F. Focant, C. Xhrouet, E. De Pauw

Centre d'Analyse des Résidus en Traces (C.A.R.T.)

Allée de la Chimie, B6C

4000 Liège

 2 + 32 (0)4366 34 14

Fax + 32(0)43663413

http://www.cartulg.be



Structure générale des Dioxines, Furannes et **PCBs**



Dioxines 75 congénères

Furannes 135 congénères

PCBs 209 congénères dont 7 en position 2,3,7,8 dont 10 en position 2,3,7,8 dont 13 sont 'dioxin-like'



PCDDs,PCDFs et PCBs 'Dioxin Like'

Polychlorobenzodioxines: 75 congénères 7 « toxiques »

Polychlorobenzofurannes: 135 congénères 10 « toxiques »

Polychlorobiphényles: 209 congénères 13 « dioxin-like »

Total 419 **30**



30 composés sont considérés comme équivalents-dioxine



Facteurs d'équivalence toxique (TEF)

facteurs de pondération permettant de tenir compte des toxicités relatives par rapport à la substance la plus toxique : la 2,3,7,8-TCDD ("dioxine dite de Seveso")



Facteurs d'équivalence Toxique PCDDs

• PCDDs, PCDFs	TEF selon WHO
2,3,7,8 TCDD	1
1,2,3,7,8 PeCDD	1
1,2,3,4,7,8 HxCDD	0.1
1,2,3,6,7,8 HxCDD	0.1
1,2,3,7,8,9 HxCDD	0.1
1,2,3,4,6,7,8 HpCDD	0.01
OCDD	0.0001
2,3,7,8 TCDF	0.1
1,2,3,7,8 PeCDF	0.05
2,3,4,7,8 PeCDF	0.5
1,2,3,4,7,8 HxCDF	0.1
1,2,3,6,7,8 HxCDF	0.1
2,3,4,6,7,8 HxCDF	0.1
1,2,3,7,8,9 HxCDF	0.1
1,2,3,4,6,7,8 HpCDF	0.01
1,2,3,4,7,8,9 HpCDF	0.01
OCDF	0.0001



Facteurs Equivalents Toxiques PCBs

Congénère PCBs co-planaies	TEF
3,3,4,4'-TetraCB (77) 3,3',4,4',5-PentaCB (126) 3,3',4,4',5,5'-HexaCB (169)	0,0001 0,1 0,01
autres PCBs	0,0001-0,0005



Les valeurs des équivalents toxiques sont basées sur:

1° des informations concernant le pouvoir cancérogène chez les animaux, à long terme et chez l'homme

2° des informations, à défaut de 1°, concernant les autres effets néfastes (reproduction, immunité)

3° des données de toxicité aiglie

4° des tests in vitro ou in vivo (liaison à un récepteur, effets biologiques)

Peu de données existent pour chacun des congénères. Les données existantes concernent principalement les points 3° et 4°



Calcul de la TEQ (TEQ : quantité équivalente toxique)

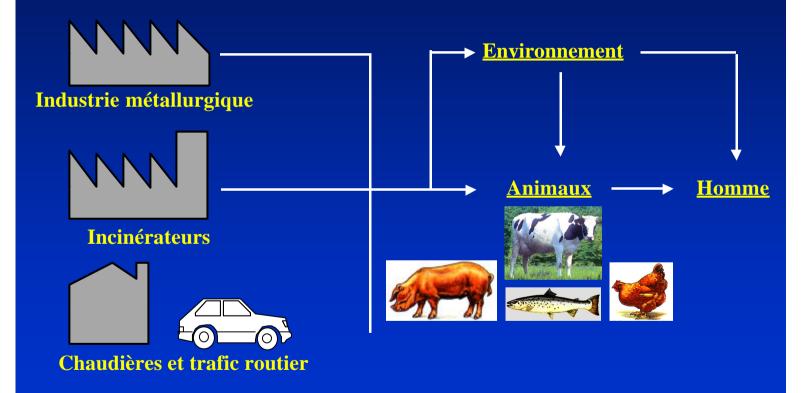
Résultats exprimés en pg de TEQ par gramme de matière grasse

TEQ =
$$\sum_{1}^{n}$$
 (qté trouvée x TEF)

n = nombre de congénères détectés dans l'échantillon



LES DIOXINES Sources et voie d'exposition

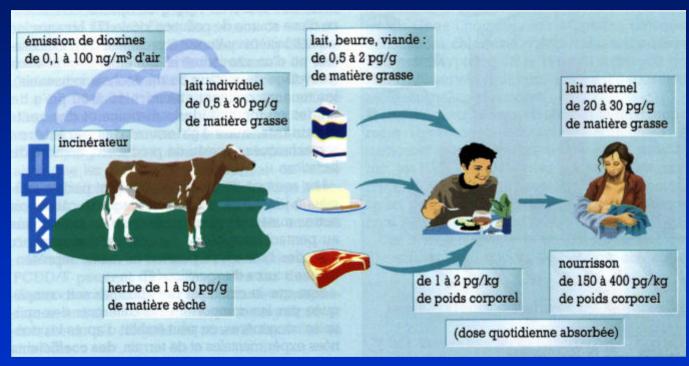


LES DIOXINES Autres sources

- Les PCBs industriels (transformateurs, fluides calorifuges et autres applications)
- Les précurseurs (polychlorophénols, herbicides chlorés...)
- Eléments par synthèse « de novo »
- PCBs oxydés introduits dans la chaîne de recyclage des graisses
- Dioxines et furannes dans les pulpes de citrus



Contamination de la chaîne alimentaire



Cas des régimes particuliers: iles faroes



Exposition humaine aux dioxines

- Absorption journalière = 50 200 pg TEQ/jour (pour un adulte de 60 kg = 1-3 pg/kg/jour)
- N.B.: si on inclut les PCBs "dioxin-like" —> 2 à 3 fois plus!
- Absorption journalière pour les bébés nourris au sein : jusqu'à 2 fois plus.
- Mais : depuis fin 80, émissions réduites d'un facteur 2 sur 7 ans dans certains pays.



Absorption journalière tolérable

(selon l'OMS : Organisation Mondiale de la Santé)

 Doses sans effets chez l'animal le plus sensible (DSE) selon l'OMS :

10 - 40 pg/kg/jour

Absorption journalière tolérable pour l'homme selon l'OMS :

1 - 4 pg/kg/jour

 mais certains effets toxiques possibles déjà à 2-6 pg/kg/jour! —> il faut réduire l'exposition



Absorption journalière tolérable

(selon l'EPA: Environment Protection Agency - USA)

Q,006 pg/kg/jour

 Rappel : l'exposition est de 1-3 pg/kg/jour pour un adulte de 60 kg dans les pays industrialisés



Le problème des normes

- Sensibilité très variable entre les espèces.
- Extrapolation des effets aux faibles doses.



- Difficulté d'interpréter les données chez l'homme.
- Problème de l'intégration des PCBs 'dioxin-like 'dans les normes dioxines.



Les Normes

Type de polluant

PCDD/F= Σ des 17 congénères exprimée en équivalents toxiques de l'Organisation Mondiale de la Santé FET-OMS (1997)

Aliments pour animaux

- 1. Pulpe d'agrumes
- 2. Argiles kaolinitique
- 3. Matière grasse animale (> 25% de matière grasse)
- 4. Autre produits d'animaux terrestre (< 25% de matière grasse)

Norme

- 0.5 ng-TEQ/Kg
- 0.5 ng-TEQ/Kg
- 2 ng-TEQ/Kg MG
- 0.5 ng-TEQ/Kg

- 6. Poissons, autres animaux marins (<25% de matière grasse)
- 7. Huile végétale et sous-produits
- 8. Aliments pour poissons

1.5 ng-TEQ/Kg

1 ng-TEQ/Kg MG

3 ng-TEQ/Kg

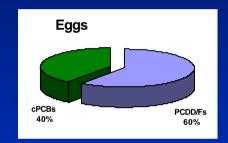


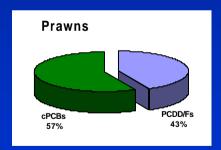
Contribution des PCBs coplanaires au TEQ

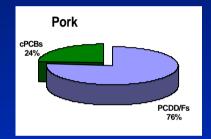
	PCDD/Fs			cPCBs				
Matrices	Mean pg TEQ/g fat	Range pg TEQ/g fat	% Total TEQ	Mean pg TEQ/g fat	Range pg TEQ/g fat	% Total TEQ	n	
Foodstuffs								
Pork	0,13	[0,1 - 0,2]	76	0,04	[0 - 0,1]	24	14	
Bovine	1,9	[0,3-4,1]	43	2,5	[1,3 - 6,0]	57	9	
Poultry	0,3	[0,1 - 0,6]	39	0,5	[0,3 - 0,8]	61	8	
Eggs	3,6	[1,2 - 7,6]	60	2,3	[0,7 -3,8]	40	3	
Horse	5,8	[3,3 - 10,3]	34	11,5	[7,5 - 14,7]	66	3	
Milk	1,4	[1,4 - 1,5]	46	1,7	[1,6 - 1,7]	54	4	
Dairy fat	0,5	[0,3 - 0,8]	8	6,3	[3,5 - 7,7]	92	5	
Cheese	1,6	[1,6 - 1,7]	50	1,6	[1,4 - 1,7]	50	3	
Marine								
Sperm whale	285,9	-	44	362,9	-	56	1	
Mackerel	51,6	-	17	257,3	-	83	1	
Prawns	42,5	[38,1 - 45,8]	43	56,8	[48,6 - 63,2]	57	3	
Human								
Serum	13,2	[5,4 - 19,7]	83	2,8	[1,2 - 4,5]	17	3	

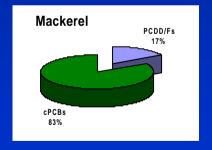


Contribution des PCBs coplanaires au TEQ











Méthodes d'analyse

- ➡ Méthode de référence : Chromatographie en phase gazeuse couplée à la spectrométrie de masse à haute résolution (HRGC/HRMS)
- **⇒** Indicateurs biologiques :
 - Anticorps spécifiques aux PCDD/Fs (EIA)
 - CALUX
 - EROD
- → **Méthode alternative** : Chromatographie en phase gazeuse couplée à la spectrométrie de masse en tandem (GC/MS/MS)



Méthode de référence

⇒ HRGC/HRMS

La méthode est basée sur la haute résolution de la séparation chromatographique dite congénère spécifique

Elle basée sur la haute résolution de la détection par spectromùétrie de masse pour éviter les interférences

Elle est basée pour la quantification sur la dilution isotopique: dopage par standard marqué 12C13

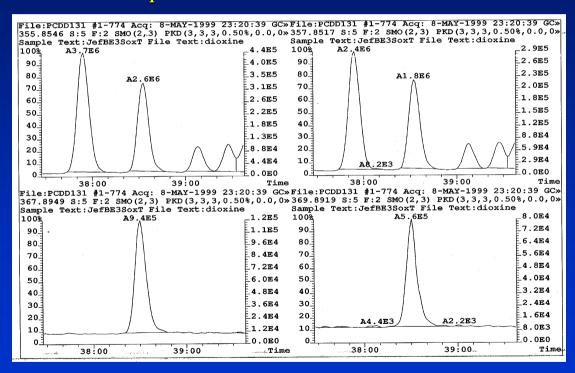
Elle est basée sur l'existence d'isotopes du chlore qui permettent la confirmation:

- ê un chlore: 2 pics: 35 et 37
- ê quatre chlores: 4 pics 4X35, 3X35 +37, 2X35+2x374X37



GC/HRMS

Technique de dilution isotopique pour l'identification et la quantification des PCDD/Fs





Methodes de préparation des échantillons

Facteur de concentration très important (de 200 grs à ques microlitres), la préparation des échantillons est donc un point essentiel

- Extraction
- Purification



Étapes particulièrement importantes à optimiser



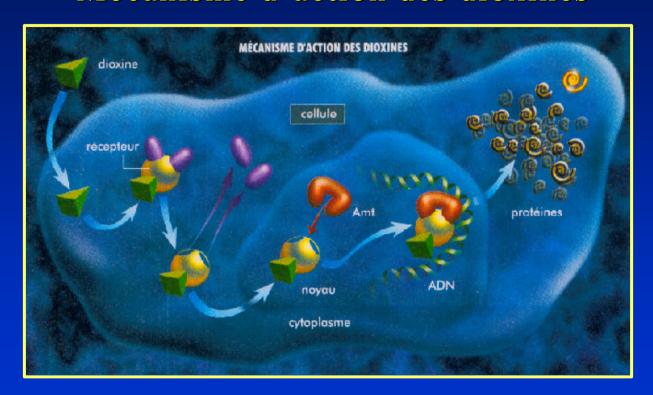
Pourquoi des méthodes alternatives ?

- Coût
- Difficulté de l'analyse (nombre d'échantillons, délais)
- Manque d'étendue de la plage des composés analysés

Optimisation des méthodes existantes et développement Méthodes alternatives

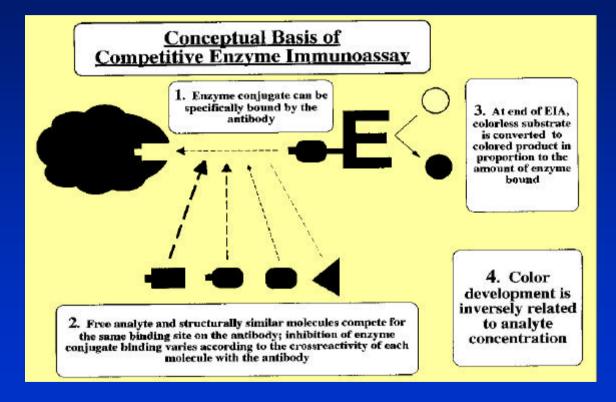


Mécanisme d'action des dioxines





Méthodes biologiques de screening (EIA)



Méthodes biologiques de screening (CALUX)

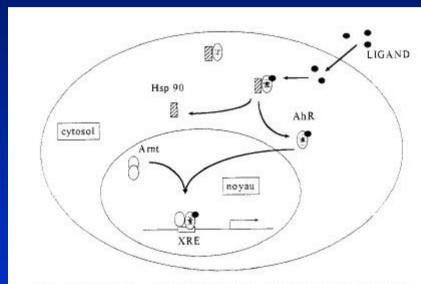


Fig. 8: REGULATION GENERALE DES GENES DU METABOLISME DES XENOBIOTIQUES

La présence de dioxines est le point de départ de l'activation des gênes régulés par les éléments XRE. Suite à la liaison avec son ligand, le récepteur AhR se détache de la protéine Hsp 90, pénètre dans le noyau et se lie à la protéine Arnt. C'est ce complexe qui se fixe à l'élément XRE.



Méthode physico-chimique alternative: la MS/MS

Activation par collisions

MS1



MS2

Deux spectromètres en série ou utilisation en série du même spectromètre

Amélioration du rapport signal sur bruit



Méthodes Alternatives: QIT MS/MS Triple quadrupole MS/MS ??

Pourquoi?

- ➡ Réduction du coût d'analyse
- ➡ Appareillage moins complexe

Comment?

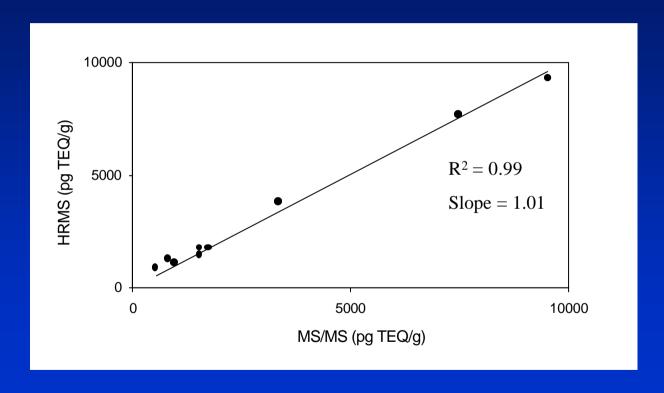
- ⇒ Dilution isotopique
- □ Isolation des ions parents et fragmentation par CID

Suivi de 2 ions parents (12C et 13C) par MRM Formation d'ions filles par perte spécifique de COCl*

Dosage effectué sur 2 ions *filles* pour les ¹²C et les ¹³C afin de vérifier les rapports isotopiques

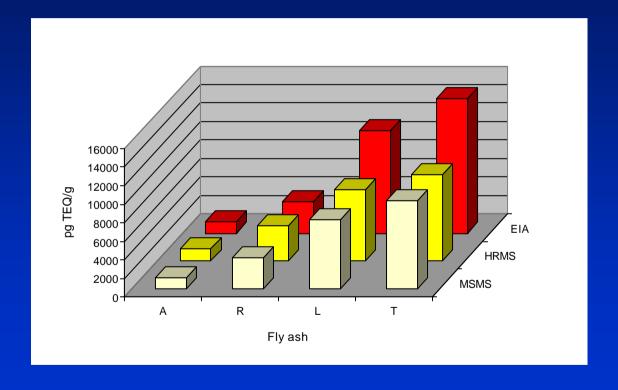


Corrélation HRMS-MS/MS dans le cas d'échantillons réels de cendres





Comparaison entre MS/MS, HRMS et EIA





Résumé

- Surévaluation par les tests biochimiques
 - Faux positifs

 marge de sécurité
- En cas de positifs par test biochimique, nécessité de recommencer la préparation de l'échantillon pour l'analyse par spectrométrie de masse.
- Bonne corrélation entre MS/MS-HRMS
- MS/MS peut être utilisée pour la quantification des dioxines dans les matrices « inorganiques »
- Qu'en est-il des matrices complexes ?



Utilisation de la MS/MS pour les matrices biologiques ?

• La MS/MS est la méthode accréditée (BELTEST) au CART pour l'analyse de routine des PCBs dans les denrées alimentaires.

Rem : La SM est imposée en confirmation par le Ministère de l'Agriculture pour l'analyse des PCBs dans les denrées alimentaires.

• Extension à l'analyse des dioxines ? Besoin de gain de sensibilité:efficacité de piégeage, d'activation, injection large volume ou GC rapide



Matrices complexes

- Le premier problème à résoudre dans les matrices complexes est celui de leur diversité
- Matrices grasses
- Matrices moins grasses: sang (animal et humain), lait
- Matrices non grasses: végétaux, sédiments, charges minérales...

La technique d'extraction doit être adaptée au type de matrice mais doit permettre de converger vers une même procédure de purification



Extraction

Préparation: découpe, homogénéisation, lyophilisation...

SPE

Cartouche C18 Sang, lait

ASE

Graisse à hexane Sols,sédiments au toluène

Soxhlet

Prélèvement, sols au toluène Lait en poudre au DCM/pentane 1:1

SFE

Cendres volantes CO₂+ toluène

Micro-ondes

Graisse, lait, Cendres, sols

purification



Purification

- GPC ou colonne de silice haute capacité pour les échantillons de graisse
- Purification sur colonnes:
 - silice acide, neutre et basique
 - Alumine
 - Charbon actif avec reverse flow
- méthode automatisée à plusieurs échantillons en parallèle (PowerPrepTM)

ou HPLC



High Capacity Disposable Silica Columns (HCDS)

Pourquoi ?: supprimer la GPC augmenter le nombre d'échantiloons simplifier le clean-up

Comment ?: 28g acidic, 16g basic, 6g neutral
Disposable
Intégration dans le circuit PwP

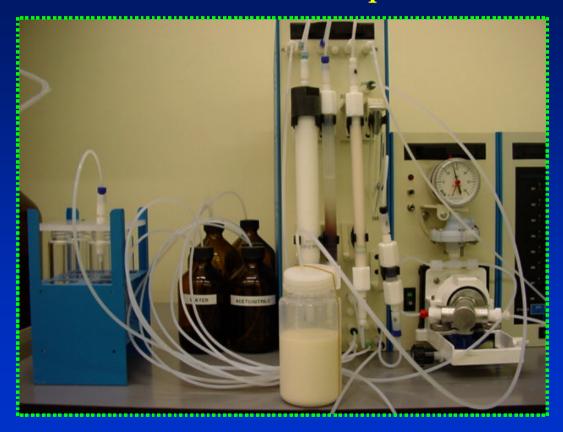








Echantillons liquides





Séparation chromatographique

- Choix de la colonne:
 - environnement sp 23-31, 60 m
 - Matrices bio: db-5, 30 m
 - Colonnes « courtes » pour des runs de screening



Assurance qualité

- Insertion de blancs, blancs de solvant et contrôle qualité (interne ou matériau de référence) par série de 10 échantillons
- Utilisation de standard de recovery
- Contrôle des temps de rétention
- Contrôle des abondances isotopiques
- Linéarité, facteurs de réponse (RRF)
- Ring tests

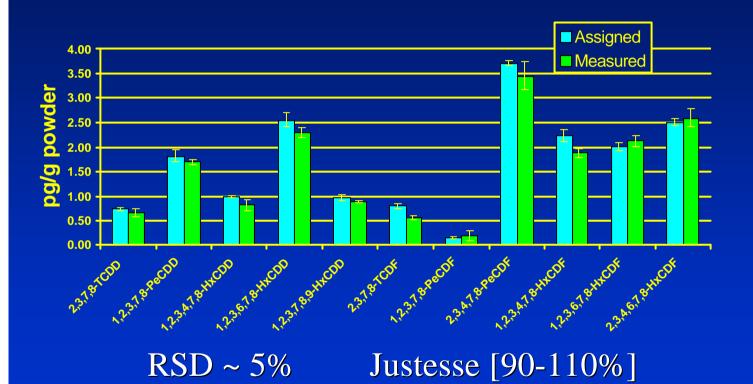


QC Chart



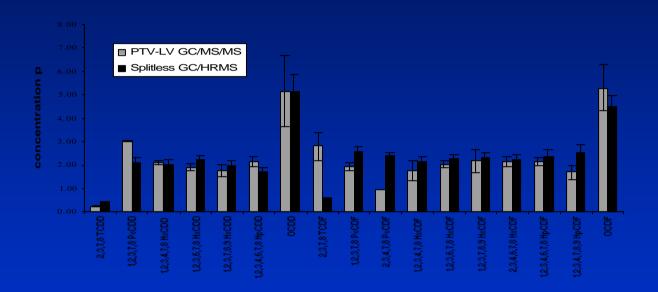


Reference Material (RM 534)





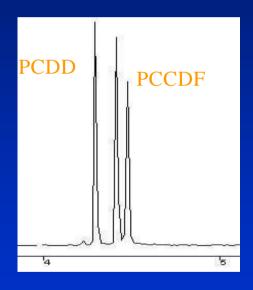
Méthode alternative QITMS/MS





Nouvelle approche pour les dioxines et furannes

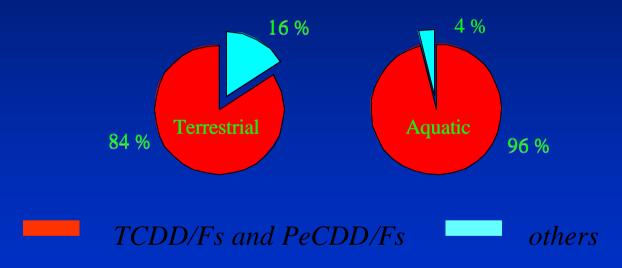
	Mean	Mean			
	1,2,3,7,8-PeCDD	2,3,4,7,8-PeCDF	Sum	SD	Range
Beef	26	45	71	3	[68-74]
Veal	39	35	74	n.a.	n.a.
Pork	39	36	75	11	[68-83]
Lamb	47	34	77	9	[71-84]
Horse	29	36	65	9	[56-73]
Chicken	21	46	67	2	[65-69]
eggs	22	43	65	n.a.	n.a.
cheese	23	50	73	n.a.	n.a.
Creme	62	16	78	n.a.	n.a.
Butter	19	59	78	1	[77-78]
Milk	25	43	68	10	[51-79]
Prawn	13	42	55	n.a.	n.a.
Trout	16	41	57	n.a.	n.a.
Salmon	21	41	62	n.a.	n.a.
Mackerel	13	30	43	1	[42-44]
Herring	28	46	74	n.a.	n.a.
Plaice	24	49	73	n.a.	n.a.





Problème des échantillons marins

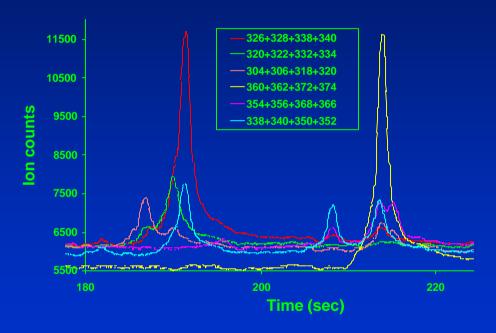
Contribution au TEQ des différents congénères





Inclusion des cPCBs dans le screening

Fast GC QTOFMS





Evaluation des Tests biochimiques

- Sensibilité limite
- Clean up difficile (fonctionnent dans l'eau ou solvants polaires)
- Surtout intéressants en cas de très grandes séries à mesurer simultanément (incompatible avec 2)
- Calibration indépendante (pas de standard interne)
- Réponse en TEQ incluant tous les polluants, difficile à adapter à une modification de norme
- Pas de pattern



Mise en œuvre d'une stratégie globale

Dépend de la question posée <



Objectif qualitatif

Objectif quantitatif

- Extraction et clean-up automatisés
- Méthode d'évaluation globale de toxicité: bioessai
- Méthode smi-quantitative (ou échantillon contaminés):QIT-MSMS
- Méthode précise: HRGC-HRMS
- En développement: FastGCTOF

